

539401

Rec'd PCT/JP 07 APR 2005

(12)特許協力条約に基づいて公開された国際出願

(19) 世界知的所有権機関  
国際事務局(43) 国際公開日  
2004 年 4 月 22 日 (22.04.2004)

PCT

(10) 国際公開番号  
WO 2004/032615 A1

- (51) 国際特許分類<sup>7</sup>: A01K 67/027 (74) 代理人: 平木 祐輔, 外 (HIRAKI, Yusuke et al.); 〒105-0001 東京都港区虎ノ門一丁目17番1号 虎ノ門5森ビル3階 Tokyo (JP).
- (21) 国際出願番号: PCT/JP2002/010599
- (22) 国際出願日: 2002 年 10 月 11 日 (11.10.2002) (81) 指定国 (国内): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NO, NZ, OM, PH, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.
- (25) 国際出願の言語: 日本語
- (26) 国際公開の言語: 日本語
- (71) 出願人 (米国を除く全ての指定国について): 独立行政法人産業技術総合研究所 (NATIONAL INSTITUTE OF ADVANCED INDUSTRIAL SCIENCE AND TECHNOLOGY) [JP/JP]; 〒100-8921 東京都千代田区霞が関一丁目3番1号 Tokyo (JP). 日本製粉株式会社 (NIPPON, CO. LTD.) [JP/JP]; 〒151-0051 東京都渋谷区千駄ヶ谷五丁目27番5号 Tokyo (JP).
- (72) 発明者; および (74) 発明者/出願人 (米国についてのみ): 田中 真奈実 (TANAKA, Manami) [JP/JP]; 〒305-0044 茨城県つくば市並木 4-909-103 Ibaraki (JP). 田中 朝雄 (TANAKA, Tomoo) [JP/JP]; 〒259-1141 神奈川県伊勢原市上粕屋 246 東海大学職員住宅 401号 Kanagawa (JP).
- (84) 指定国 (広域): ARIPO 特許 (GH, GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア特許 (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), ヨーロッパ特許 (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE, SK, TR), OAPI 特許 (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).
- 添付公開書類:  
— 国際調査報告書
- 2 文字コード及び他の略語については、定期発行される各 PCT ガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語のガイダンスノート」を参照。

(54) Title: CHIMERIC MOUSE WITH REGULATED BRADEION GENE EXPRESSION

(54) 発明の名称: ブラディオオン遺伝子発現抑制キメラマウス

(57) Abstract: A chimeric mouse having an endogenous bradeion gene the expression of which is under regulation; and mouse embryo stem cell-origin cells collected from this chimeric mouse.

(57) 要約:

本発明は、発現抑制させた内在性ブラディオオン遺伝子を有するキメラマウス及び該キメラマウスから採取されるマウス胚性幹細胞由来の細胞に関する。



WO 2004/032615 A1

## 明 細 書

## ブラディオオン遺伝子発現抑制キメラマウス

## 技術分野

本発明は、遺伝子改変により発現抑制させた内在性ブラディオオン遺伝子を有するキメラマウスに関する。

## 背景技術

21 世紀における分子医療革命は、ポストゲノム計画として、疾病の遺伝子・物質基盤を捉えて、個人特性に合わせた制御モニターシステムを構築していくことを目指している。具体的には、“Quality of Life” の概念に基づいて、遺伝子病・癌・神経退行性疾患などの社会生活を脅かす疾患群のリスクグループの検出（診断及び遺伝子モニタリング）、さらにはリスク遺伝子の発見、並びに治療（例えば薬剤、遺伝子治療）に対する感受性検索など、個人の遺伝タイプに合った医療対応体制を確立するというものである。ここで、癌のみならず多くの疾病は、multi-gene effect によるものであり、かつ、環境要因が大きく左右することから、何をコントロールしたら疾病にならないということは断言できない。しかしながら、疾病になってしまったものをコントロールする、いわゆる制御技術開発を通じて疾病制御対策をこうじめることは可能なのである。

この概念に基づき、現在特に細胞の癌化・不死化制御技術開発が、脳神経系の分裂抑制物質解析等を通じて研究されることも多い。このような研究を通じて、様々な細胞増殖・分裂・癌化に関わる分子基盤が明らかにされてきた。そのような研究の結果として、既に、産業技術総合研究所（旧工業技術院）から、脳神経細胞の発生・分化後の長期生存に関わる細胞寿命制御因子であるヒトブラディオオンタンパク質に関する発明の特許出願がなされている（特開 2000-139470 号公報、特開 2001-161384 号公報、米国特許第 09/440,936 号）。これらの研究から、ブラディオオンタンパク質は、成人脳神経系細胞、あるいは大腸癌・前立腺癌細胞、皮膚癌で特異的に発現することが判明しており、したがってこのブラディオオンは、

細胞変異等の早期診断のターゲットとしてはもちろんのこと、特異的阻害剤及び遺伝子治療のターゲットとして必要な諸条件を満たすことが明らかになった（上記特許群；Tanaka, M.ら, Biochem. Biophys. Res. Commun. (2001) 286, 547-553 を参照のこと）。

### 発明の開示

ターゲットとなりうる情報伝達物質を発見しても、それを利用して本来の目的である疾病制御もしくは遺伝子機能制御技術の開発へと発展させるためには、培養細胞レベルの解析だけでは不十分であり、さらに生物個体モデルでの解析を行う必要がある。そのためには、適切な生物個体モデル動物を確立することが必要になってくる。この目的に対しては、現在のところ、特定の遺伝子に対する各種ノックアウトマウスを含む遺伝子改変動物が作製され、用いられている。

しかしながら、特定の遺伝子を発生時から発現抑制させる場合、発生過程においてその影響が形態形成及び生体機能にどのように及ぶかという点については、実質的に予測することは困難であるのが現状である。

本発明は、生物個体モデル動物及び遺伝育種用動物として有用な、新規ノックアウトキメラマウスを提供することを目的とする。

そこで、本発明者らはまず、上記課題を解決するため鋭意検討を重ねた結果、遺伝子工学的手法により発現抑制させた内在性ブラディオン遺伝子を少なくとも1つ有するマウス胚性幹細胞を作製することに成功した。この胚性幹細胞を導入することによりキメラマウスを作製したところ、該キメラマウスは脳神経系全般の発育不全、並びに全身の発育不良、頭蓋骨形成不良、及び視力障害などの形態異常を示すことが判明し、本発明を完成するに至った。

すなわち、本発明は、以下の通りである。

(1) 発現が抑制されている内在性ブラディオン遺伝子を含むゲノムDNAを有するマウス胚性幹細胞が導入されたマウス胚を発生させたキメラマウス。

そのような発現が抑制されている内在性ブラディオン遺伝子は、生物学的活性が低下しているブラディオンタンパク質、又は生物学的活性を喪失したブラディオンタンパク質をコードするように遺伝子改変されているものであり得る。さら

に、発現が抑制されている内在性ブラディオオン遺伝子は、そのコード領域全体を欠失するように遺伝子改変されているものであり得る。

(2) マウス胚性幹細胞がPJ1-5株由来であり、マウス胚がC57BL/6系マウス由来である、上記(1)のキメラマウス。

(3) マウス胚が8細胞期胚、桑実胚及び胚盤胞からなる群より選択されるものである、上記(1)又は(2)のキメラマウス。

(4) 形態異常を示す、上記(1)～(3)のキメラマウス。

この形態異常としては、頭蓋骨形成不良、視力障害、及び全身の発育不良が挙げられる。

(5) キメラ率が90%以上98%未満である、上記(1)～(4)のキメラマウス。

(6) 上記(1)～(5)のキメラマウスから採取される、マウス胚性幹細胞由来の細胞。

以下、本発明を詳細に説明する。

ブラディオオン遺伝子は脳神経細胞の長期生存に関わる遺伝子であることが報告されている。さらに、例えば該遺伝子はヒトでは成人脳等に特異的に発現が認められ、ヒト胎児では発現が認められないことから、ブラディオオン遺伝子の発生過程における機能は未知であった。この点に関して、本発明で初めて、内在性ブラディオオン遺伝子を発現抑制させたキメラマウスが上記のような脳神経系の発育不全及び形態異常を示すことが明らかになったものである。この知見に基づき、本発明のキメラマウスは、上記のような脳神経系の発育不全及び形態異常が生ずる分子的機構を解明し、さらにはそのような脳神経系の発育不全及び形態異常と関連する障害及び疾患の治療又は制御方法を開発する上で、好適な生物個体モデル動物として提供され得ることが判明した。

したがって本発明は、発生時から発現抑制させた内在性ブラディオオン遺伝子を少なくとも1つ有するマウス胚性幹細胞を導入し作製したキメラマウスが、生物個体モデル動物及び遺伝育種用動物として有用であることを見出し、完成されたものである。

本発明は、少なくとも1つの内在性ブラディオオン遺伝子を発現抑制させたゲノ

ムDNAを有するマウス胚性幹細胞を作製し、その胚性幹細胞をマウス初期胚に導入して発生させることにより作製した、ブラディオオン遺伝子発現抑制キメラマウスに関するものである。本発明のキメラマウスは、発生時よりブラディオオン遺伝子を発現抑制させることにより、脳神経系の発育不全及び各種形態異常を生じていることを特徴とする。

## 1. ブラディオオン遺伝子

ブラディオオンは、ヒト成人の脳などに特異的に存在することが知られている脳神経細胞の長期生存に関わるタンパク質である。このタンパク質は、細胞分裂及び増殖制御に関わる物質（セプチンファミリー）と類似した構造を有するものであり、また同時に細胞寿命の決定因子（プログラム細胞死を引き起こす）の構造を有するものでもある。既に予備実験などにより、その機能解明が進んでおり、ブラディオオンは、癌細胞に特異的発現を示すセプチンファミリーとよばれる細胞分裂制御因子であること、細胞分裂の最終の時点で MAP キナーゼシグナル伝達カスケード、細胞増殖装置のモーターポンプとしての役割を果たすことも示されている。ヒトにおいて、ブラディオオンタンパク質は、同じブラディオオン遺伝子によってコードされる2種類の転写翻訳産物、すなわち $\alpha$ 型と $\beta$ 型とが存在することが知られている。またブラディオオンタンパク質のヒトにおける組織特異的発現は、大腸癌組織及び皮膚癌組織においても認められている（Tanaka ら、Biochemical and Biophysical Research Communications 286, 547-553 (2001)）。さらに、マウスにおいては、ブラディオオンタンパク質 $\beta$ 型の相同体が存在することが報告されている（特開 2000-139470 号公報）。

本発明は、このような知見から、発現抑制させた内在性ブラディオオン遺伝子を有するキメラマウスを作製することができれば、脳神経細胞に関連する障害・疾患、及び細胞の癌化に関するモデル動物として有用であろうという着想に基づいて完成されたものである。

発現を抑制させる対象となる内在性ブラディオオン遺伝子は、マウスゲノム DNA 中に内在するブラディオオン遺伝子の対立遺伝子の片方または両方である。本明細

書において、「発現抑制」又は「発現を抑制」させた遺伝子とは、該遺伝子にコードされるタンパク質の生物学的活性が天然形態よりも低下するように遺伝的に改変された遺伝子を意味する。さらに、「発現抑制」又は「発現を抑制」させた遺伝子とは、該遺伝子にコードされるタンパク質が生物学的活性を喪失するように遺伝的に改変された遺伝子をも意味する。さらにまた、「発現抑制」又は「発現を抑制」させた遺伝子とは、該遺伝子にコードされるタンパク質が産生されないように遺伝的に改変された遺伝子をも意味する。内在性ブラディオン遺伝子を発現抑制させたゲノム DNA とは、構造的には、該遺伝子の全体を欠失しているゲノム DNA でもよいし、該遺伝子の一部を欠失しているゲノム DNA でもよい。あるいは、該遺伝子の内部に外来性の DNA 断片が挿入されているゲノム DNA でもよい。

本発明では、以下の工程にしたがって、ブラディオン遺伝子を発現抑制させたゲノム DNA を有するマウス胚性幹細胞を作製することができる。

特定の遺伝子を発現抑制させるためには、公知のジーンターゲティング法が広く用いられている。公知のジーンターゲティング法は、ターゲティングベクターを導入して相同組換えを起こさせることにより、所望の遺伝子に特定の変異を導入する方法である。このようなジーンターゲティング法の詳細については、すでに様々な文献に記載されており、以下の 2～5 の工程はそれらの文献に従って行うことができる（相澤慎一：ジーンターゲティング－ES細胞を用いた変異マウスの作製，バイオマニュアルシリーズ 8，羊土社（1995）；Hogan, B., Beddington, R., Constantini, F., Lacy, E.: Manipulating the Mouse Embryo, Cold Spring Harbor Laboratory Press (1994)；Joyner, A.L.: Gene Targeting, A Practical Approach Series, IRL Press (1993)等を参照されたい）。

## 2. ターゲティングベクターの作製

本発明において、マウス胚性幹細胞のゲノムDNA中のブラディオン遺伝子を発現抑制させるために用いるターゲティングベクターとしては、例えば以下の通りにして構築することができる。

まず、マウスブラディオン遺伝子において変異を導入する領域に対し5'側に位

置する領域、及び3'側に位置する領域を相同領域として選択し、その領域に相当するDNA断片を調製する。そのために、例えば、マウスゲノムライブラリーからのマウスブラディオンcDNAによるスクリーニングによって、マウスブラディオン遺伝子を含むプラスミドクローンを取得する。次に、プラスミドクローンの制限酵素地図を作製し、サブクローニングを行い、該遺伝子の構造を決定する。そして、所望の相同組換え体を得る上で好適に相同組換えを起こさせ得る領域を選択することにより、上記相同領域に相同なDNA断片を設計することができる。この際、組換え頻度を向上させるためにはマウスゲノムライブラリーと使用するES細胞とが同じ系統に由来するものであることが好ましいが、別の系統に由来するものであってもよい。特にブラディオン遺伝子全体を欠失させる場合には、ブラディオン遺伝子よりも上流（5'側）及び下流（3'側）の領域を相同領域として選択することが好ましい。ブラディオン遺伝子の一部のエキソンを含む領域を欠失させる場合には、ブラディオン遺伝子中の目的領域の両側に位置するエキソンを相同領域として選択することが好ましい。ブラディオン遺伝子中に外来遺伝子を挿入する場合には、エキソン中に存在する挿入部位の両側の領域を相同領域として選択することが好ましい。これらの領域に相当するDNA断片は、前記マウスブラディオン遺伝子を含むプラスミドクローンから、目的の領域を制限酵素によりそれぞれ切り出したDNA断片として調製することができる。あるいはこれらのDNA断片は、目的とする領域をPCR法により増幅した増幅断片であってもよいし、化学合成により合成したものであってもよい。

次いで、これらのDNA断片をセレクション用マーカー遺伝子と連結させる。限定するものではないが、通常は、上記5'側DNA断片、ポジティブセレクション用マーカー遺伝子、上記3'側DNA断片、ネガティブセレクション用マーカー遺伝子の順に連結させる。ネガティブセレクション用マーカー遺伝子は、場合により使用しなくてもよく、また場合により上記以外のDNA断片又は他の化合物等を付加してもよい。変異を導入する部位に組み込まれるポジティブセレクション用マーカー遺伝子としては、ネオマイシン耐性遺伝子 (Neo<sup>r</sup>遺伝子)、ピューロマイシン耐性遺伝子、又はハイグロマイシンB耐性遺伝子が挙げられるが、これらに限定されるわけではなく、ポジティブセレクション用マーカーとして好適に用いられ

るならばどのようなものを用いてもよい。ネオマイシン耐性遺伝子は、プラスミドクローンとして市販されている（Stratagene社、New England BioLabs社等）。このようなターゲティングベクターを用いることにより変異導入部位に組み込まれるネオマイシン耐性遺伝子等のポジティブセクション用マーカー遺伝子は、その前後にloxP配列を挿入しておけば、ポジティブセクション後に制限酵素Creを用いてゲノムDNA中から除去することも可能である。また、胚性幹細胞に導入する際にベクターを直鎖状化するために、ユニークな制限酵素部位を相同領域の外側に組み込んでおくことが好ましい。また、相同組換え体を相同領域の外側のプローブを用いてサザンハイブリダイゼーションによりスクリーニングする場合には、組換え遺伝子検出用の制限酵素切断部位を組み込んでおくことが好ましい。これらのDNA断片の連結は、当業者に公知の通常の方法に従って行うことができる。またこれらのDNA断片の連結は、例えばプラスミドベクター（例えばStratagene社のpBluescript II SK+等）又はファージベクター上で行うと都合がよい。

上記のようにして設計・構築されたターゲティングベクターは、通常の方法により、例えば大腸菌の形質転換及び培養によるクローニングによって、増幅して使用することができる（例えば、J. Sambrookら、Molecular Cloning, A Laboratory Manual, Second Edition, Cold Spring Harbor Laboratory Press (1989)を参照されたい）。

### 3. 内在性ブラディオン遺伝子を発現抑制させるマウス胚性幹細胞とそれを導入するマウス胚の選択

キメラマウスを作製する上では、胚性幹細胞株とそれを導入する胚（特に初期胚）のマウス系統との好適な組み合わせを選択する必要がある。この組み合わせによってキメラ形成率（キメラ率）が変化することから、好適なキメラ率を達成できる組み合わせを選択するべきである。また作製したキメラマウスを、その後、野生型マウス等と交配させてヘテロ接合体、ホモ接合体を作製するために用いることを意図する場合には、導入した胚性幹細胞がキメラマウスの生殖細胞系列に寄与するものであることが必要である。このため、本発明で用いる胚性幹細胞と初期胚のマウス系統との組み合わせは、相同組換え前の胚性幹細胞を初期胚に導



入した場合、胚性幹細胞が生殖細胞系列に寄与することが確認されるものであることが好ましい。また、作製したキメラマウスの胚性幹細胞の寄与率（キメラ率）を容易に確認するためには、適切な遺伝的マーカーを利用できるような胚性幹細胞と初期胚のマウス系統との組み合わせを用いるのがよい。このような遺伝的マーカーとしては、体毛色が好適である。体毛色を用いれば、マウスの外観から、容易にキメラ率を判定することができる。

本発明のキメラマウス作製に用いることができる、胚性幹細胞株とそれを導入する初期胚のマウス系統との好適な組み合わせとしては、例えば、129系胚性幹細胞株（例えばPJ1-5株）とC57BL/6J系マウス初期胚、D3系胚性幹細胞株とC57BL/6系マウス初期胚等が挙げられる。キメラマウス作製において好適に使用可能な胚性幹細胞および初期胚のマウス系統については、例えば「Gene Targeting」（A. L. Joyner著、野田哲夫訳、メディカル・サイエンス・インターナショナル社；特に101頁表1および103頁）や「実験医学別冊 バイオマニュアルシリーズ8 ジーンターゲティング」（相沢慎一著、羊土社（1995）；特に第2章IV ES細胞の培養 31頁の表1、および33頁表2A）等の一般的な実験マニュアル書にも記載されている。但し、目的とするキメラマウスを作製可能であれば、これらの組み合わせに限定されるものではない。

#### 4. 発現抑制させた内在性ブラディオン遺伝子を有するマウス胚性幹細胞の作製

マウス胚性幹細胞中に、「2. ターゲティングベクターの作製」で調製したターゲティングベクターを導入する方法としては、リン酸カルシウムトランスフェクション法、DEAEデキストラン法、リポフェクション法、マイクロインジェクション法、エレクトロポレーション法、ウイルスベクターを用いる方法等、当業者に公知の任意の方法を用いることができる。

ターゲティングベクターを導入する方法としては、このうちエレクトロポレーション法が広く用いられており、その方法は以下のようにして行うことができる。

まずマウス胚性幹細胞としては、飼育細胞（フィーダー細胞）上で培養し、その後トリプシン処理により培養皿から剥離させた細胞浮遊液を用いる。細胞浮遊液は所定の濃度に調製しておくことが好ましい。上記の通り調製したターゲティ

ングベクターは、相同領域の外側に組み込むように設定したユニークな制限酵素切断部位を利用して直鎖状化する。これを上記の細胞浮遊液と混合し、エレクトロポレーターによりパルスを加える。パルス印加後の胚性幹細胞は、培養液中で36～48時間程度培養する。その後該培養液にポジティブセレクション用添加薬剤を添加して、ポジティブセレクションを行う。ターゲティングベクター構築に用いたポジティブセレクションマーカー用遺伝子がネオマイシン耐性遺伝子である場合には、ポジティブセレクション用添加薬剤としてG418を用いることができる。

上記のような添加薬剤を含有した培養液を毎日交換しながら胚性幹細胞の培養を継続し、7～9日経過後、出現した薬剤耐性コロニーを採取する。

得られた薬剤耐性コロニーは、相同組換え体の候補と考えられる。そこでそれらのコロニーから抽出されるゲノムDNAについて、サザンハイブリダイゼーション又はPCRにより所望の相同組換えを起こしたゲノムDNAを有する胚性幹細胞株をスクリーニングする。

前記スクリーニングには、ターゲティングベクターの構築に用いた相同領域の外側に設定したプローブを利用したサザンハイブリダイゼーションを用いることができる。また前記スクリーニングには、ターゲティングベクターの構築に用いた相同領域の外側に設定したプライマーと、neo遺伝子内に設定したプライマーとを利用するPCRを用いることもできる。

#### 5. 発現抑制されたブラディオン遺伝子を有するマウス胚性幹細胞を導入したキメラマウスの作製

次に、相同組換えにより所望の遺伝子変異を導入したマウス胚性幹細胞を、マウス初期胚に導入して、キメラマウスを作製する。このようなキメラマウスの作製方法としては、マウス初期胚として胚盤胞を利用してこれに胚性幹細胞を注入する方法（胚盤胞注入法）、マウス初期胚として8細胞期胚又は桑実胚を利用しこれと胚性幹細胞塊を接着させる方法（アグリゲーション法；Andra, Nら：Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 90: 8424-8428, 1993、Stephan. A. W. ら：Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 90: 4582-4585等を参照のこと）等の、当業者に公知の方法を

用いることができる。

胚性幹細胞を導入したマウス初期胚は、偽妊娠マウスの子宮又は卵管内に胚移植し、キメラマウス個体へと発生させ、産出させる。この工程は当業者には公知であり、様々な文献及び実験プロトコールにしたがって実施することができる（Hogan, B. ら：「マウス胚の操作（Manipulating the Mouse Embryo）」Cold Spring Harbor Laboratory Press, 1988、村松正實ら編：新遺伝子工学ハンドブック 第3版、羊土社（1999）、等を参照されたい）。

#### 6. 発現抑制されたブラディオン遺伝子を有するキメラマウスの特徴

上記のようにして作製され産出された本発明のキメラマウスは、その体細胞及び生殖細胞が、オリジナル系統由来のものと導入した胚性幹細胞由来のものとのキメラとなっている。このキメリズムの遺伝的マーカーとして、例えば、容易に観察することができる体毛色を用いることができる。この場合、キメラマウスを、初期胚の由来するオリジナル系統と異なる色の体毛を有するマウス系統に由来する胚性幹細胞を導入して作製すれば、その胚性幹細胞由来系統の毛色を示す体毛の割合から、胚性幹細胞の組織への寄与率（キメラ率）を算出することができる。このキメラ率は、例えば、外観から測定したそれぞれの体毛の面積に基づいて、胚性幹細胞の由来するマウス系統の体毛色の面積の割合を算出すればよい。

また、本発明のキメラマウスは、固有の性質として、脳神経系全般の発育不良を示す。さらに本発明のキメラマウスは、外観上、全身の発育不良、頭蓋骨形成不良及び／又は視力障害という顕著な形態異常を示す。本明細書において、全身の発育不良とは、正常マウスの同週齢の個体と比較して、体重及び体長が大幅に劣っている状態を意味する。また頭蓋骨形成不良とは、正常マウスの面長な頭蓋骨と比較して丸顔（ハムスター様）となる頭蓋骨を有しており、かつ正常マウスと比較すると眼球が顔面の大きさに比して大きいことを意味する。さらに視力障害とは、視神経の発育不良に起因するものであり、外観上はその視点が合っていない状態を意味する。

上記のように、脳神経系全般の発育不良、及び外観上顕著な形態異常を示すことから、本発明のキメラマウスは、先天的な脳神経系の発育不良と関連する障害

及び疾患、並びに全身の発育不良、頭蓋骨形成不良、及び視神経系の発育不良に基づく視力障害と関連する障害及び疾患に関して、好適な生物個体モデル動物として用いることができる。さらに本発明のキメラマウスは、ブラディオントンパク質が関与することが知られている、後天的な脳神経系の退行状態と関連する障害及び疾患、また細胞の癌化と関連する障害及び疾患、並びに細胞死と関連する障害及び疾患に関して、好適な生物個体モデル動物として用いることができる。これらの疾患及び障害に関する生物個体モデル動物としての本発明のキメラマウスは、ブラディオン遺伝子の詳細な機能の解明に有用であるだけでなく、脳神経系の形成・維持機構、細胞寿命制御機能の解明にも有用であり、さらには前記障害及び疾患の治療又は制御法の開発の上でも有用である。

また、本発明のキメラマウスが視神経の発育不良に基づく視力障害を示すことは、本発明のキメラマウスの大きな特徴である。本発明のキメラマウスにおいて、脳神経細胞で部位特異的・細胞特異的に働くことが報告されているブラディオン遺伝子を発現抑制させることにより、中枢神経系に先駆けて発生・分化が開始される視神経までが発生異常を引き起こすことが初めて明らかにされた。このことは、これまで解明されていない視神経発生異常の分子基盤を明らかにするための糸口となるものであり、さらに、発生段階における中枢神経系の分化以前の形態形成、及びそれに関連する障害及び疾患に関しても、本発明のキメラマウスを生物個体モデルとして用いることができる可能性を示すものである。

さらに本発明のキメラマウスは、内在性ブラディオン遺伝子を発現抑制させた生殖細胞を有するため、交配により、ヘテロ接合体及びホモ接合体の作製に用いることができる。また、他の遺伝子変異を有するマウスとの交配により、遺伝子同士の相互作用を解析することも可能である。その際、本発明のキメラマウスが顕著な形態異常を示すという特徴を、遺伝子の機能及び相互作用の変化を容易に観察できるマーカーとして、有利に利用することができる。したがって、本発明のキメラマウスは、遺伝育種用動物として有用である。

なお、本発明のキメラマウスから採取した、内在性ブラディオン遺伝子を発現抑制させた細胞を含む器官、組織、細胞集団も、本発明に含まれるものとする。これらの生体材料は、発育不全等の形態異常を示しているものであり得る。これ

らの生体材料も、上述したような遺伝子機能の解析、並びに障害及び疾患の治療・制御方法の開発において用いることができる。

#### 図面の簡単な説明

図 1 は、ターゲティングベクター構築に用いたサブクロンの制限酵素切断地図、並びに該サブクロンに含まれるマウスブラディオン遺伝子断片、マウスゲノムDNAに含まれるブラディオン遺伝子、及び該遺伝子の相同組換えにより得られた組換え遺伝子を、それぞれ対応させて示した図である。

図 2 は、ターゲティングベクターの構造図である。

図 3 は、本発明において胚性幹細胞株281を用いて得たキメラマウスの外観上の形態異常を示す写真である。図 3 A～図 3 Dのマウスは実施例 3 で作製したキメラマウスであり、図 3 Aは識別番号 5 8 1 mのキメラ個体、図 3 Bは識別番号 5 8 2 mのキメラ個体、図 3 Cは識別番号 5 8 4 fのキメラ個体、図 3 Dは識別番号 5 8 0 mのキメラ個体を示している。

図 4 は、本発明において胚性幹細胞株344を用いて得たキメラマウスの外観上の形態異常を示す写真である。図 4 A～図 4 Dのマウスは実施例 3 で作製したキメラマウスであり、図 4 Aは識別番号 5 8 9 mのキメラ個体、図 4 Bは識別番号 5 8 7 mのキメラ個体、図 4 Cは識別番号 5 8 5 fのキメラ個体、図 4 Dは識別番号 5 8 8 mのキメラ個体を示している。

#### 発明を実施するための最良の形態

以下、実施例を用いて本発明をさらに具体的に説明する。但し、本発明の技術的範囲はこれら実施例に限定されるものではない。

##### [実施例 1] ターゲティングベクターの作製

ブラディオン遺伝子をコードするマウスcDNA（配列番号 1）をプローブとして、マウス・ゲノムの細菌人工染色体 (BAC; Bacteria artificial chromosome) ライブラリー（Incyte Genomics社製）を常法によりスクリーニングし、BAC94R-Cクローンを得た。そのBACクローンを、制限酵素BamHI又はHindIIIで消化し、ベクターpZEr0-1（Invitrogen社製）中へサブクローニングを行った。そのサブクロ

ーン・ライブラリーより、3つのサブクローン、A1 (17.7 kb)、E2 (5.1 kb)、F11 (14.1 kb) をそれぞれ組み込んだプラスミド・クローンを得た (図1)。これらのサブクローンを各種制限酵素により消化し、アガロースゲル電気泳動による解析を行って、制限酵素マップを作成した (図1)。その結果、この3種のサブクローンは、マウスゲノム上で、5'側からF11、A1、E2の順に配列していることが判明した (図1)。次に、これらのサブクローンにおけるマウスブラディオン遺伝子の局在を確認するために、F11、A1、E2の各サブクローンを各種制限酵素によりそれぞれ消化し、アガロースゲル電気泳動を行った後、サザンハイブリダイゼーション解析を行った。そのためのプローブとしては、マウスブラディオン遺伝子の5'側非翻訳領域 (5' UTR) 相当配列 (97UTRF/94R) (配列番号2)、読み枠内領域相当配列 (223F/356R) (配列番号3)、及び3'側領域相当配列 (749F/919R) (配列番号4) の3種のDNA断片をPCR法により調製して用いた。なお、この3'側領域相当配列 (749F/919R) は、マウスブラディオン遺伝子中の、ヒトブラディオン $\alpha$ のmDNA配列 (配列番号5) の3'側非翻訳領域 (3' URF) に対応する領域に含まれている。この解析の結果、サブクローンA1は、5'側非翻訳領域相当配列 (97UTRF/94R)、読み枠内領域相当配列 (223F/356R)、及び3'側領域相当配列 (749F/919R) の各プローブにより検出され、またサブクローンE2は、3'側領域相当配列 (749F/919R) のプローブにより検出された。サブクローンF11は、上記3つのプローブのいずれを用いても検出されなかった。すなわち、サブクローンA1にはマウスブラディオン遺伝子が、E2には該遺伝子の後半の一部が含まれるが、サブクローンF11には該遺伝子は含まれないことが判明した。

上記の解析に基づき、該遺伝子全体をノックアウトするためのターゲティングベクターを構築した。相同組換えに利用するマウスブラディオン遺伝子の外側の配列としては、サブクローンF11の制限酵素XbaIによる切り出し断片 (4.1 kb) と、サブクローンA1の制限酵素EcoRI及びXhoIによる切り出し断片 (3.3 kb) とを選択し、これらのDNA断片を制限酵素によって切り出して、通常法により調製した。また、ポジティブセレクションマーカーとして用いるネオマイシン耐性遺伝子を、プラスミド・クローンpGT-N38 (New England BioLabs社製) からの制限酵素KpnI及びEcoRIによる切り出し断片として同様に調製した。次いで、ベクター38loxP

に、F11のXbaI断片、loxP、ネオマイシン耐性遺伝子、loxP、A1のEcoRI/XhoI断片の順に連結して、ターゲティングベクターを構築した。

〔実施例2〕 プラディオン遺伝子を完全欠失した対立遺伝子を有する胚性幹細胞の作製

(1) ターゲティングベクターの胚性幹細胞への導入及び相同組換え体の選択

胚性幹細胞（ES細胞）PJ1-5株を継代後、培養液中で37℃、5%CO<sub>2</sub>で36時間培養した。この胚性幹細胞を、100mm培養皿当たり3mlのトリプシン（Invitrogen社製、15050-065）を用いて処理することにより培養皿から剥がし、これをピペッティングして、単細胞として浮遊させた。これに10% ウシ胎児血清含有DMEM培地を7ml加え、さらにピペッティングした。

次いで、飼育細胞（フィーダー細胞）だけを培養皿に付着させて胚性幹細胞と分けるために、前記細胞浮遊液を別の100mm培養皿に播き、CO<sub>2</sub>インキュベーター（37℃、5%CO<sub>2</sub>）に15～30分間入れた。その後、上清を採取し、2～5培養皿分を1本の50mlチューブにまとめ、270 gで5分間遠心分離した。上清を吸引除去し、ペレットを、細胞を剥がす前の培養皿1枚あたり1mlの氷冷リン酸緩衝液に再懸濁して浮遊させた。溶液中の細胞数を数え、 $7 \times 10^6$ 細胞/mlに濃度を調整した。

このようにして得た細胞浮遊液（ $7 \times 10^6$ 細胞/ml）0.8mlと、制限酵素NotIで処理して直鎖状にしたベクターDNA 40  $\mu$ gとを混合した後、エレクトロポレーション用キュベット（BioRad社製、Cat. No. 165-2088）に移した。これに、エレクトロポレーター（BioRad社製、genepulser）で240V、500  $\mu$ Fのパルスを加えた。次いでキュベットをキュベットホルダーから取り出し、氷上に20分間静置した。その後、キュベット中の細胞浮遊液を、マウス白血病阻害因子（LIF）を含む上記培養液10～20ml中に移した。

次に、このLIF含有培養液中に懸濁した細胞浮遊液を、ゼラチンコーティングした培養皿に1枚あたり10mlずつ播いた。翌日、培養液を交換し（LIFを含んだ培養液を使用）、さらに2日後、LIFを含んだ培養液に、選択性薬剤である150～250  $\mu$ g/ml G418を加えて培養した。培養液を毎日交換しながらコロニーの観察を続け、選択後8日頃から出現した薬剤耐性コロニーを複数個採取し、各々クローン

化し、株化した。

## (2) サザンハイブリダイゼーションによる相同組換え体の同定

上記のようにして得た薬剤耐性コロニー（G418による選択の約8日後に出現）を、サザンハイブリダイゼーション解析によってスクリーニングし、ブラディオオン遺伝子全体が欠失した相同組換え体を同定した。

そのためにまず、ブラディオオン遺伝子全体が欠失した相同組換え体の候補である薬剤耐性コロニー由来の胚性幹細胞株279、281、313、344のそれぞれのゲノムDNA抽出用培養細胞から、通常法に従ってゲノムDNAを抽出した。そのゲノムDNAについて、制限酵素BamHI又はHindIIIで各々消化したサンプルを作製した。両サンプルはアガロース・ゲル電気泳動に供し、その後ナイロン・メンブレンにプロットティングした。

サザンハイブリダイゼーションは、以下の手順で3回、プローブ毎に行った。まず、プレハイブリダイゼーション溶液を用いて、65℃で30分間のプレハイブリダイゼーションを行い、次いでハイブリダイゼーション溶液及び下記のプローブを1種ずつ用いて、65℃で一晩のハイブリダイゼーションを行った。その後、0.1×SSC-0.1×SDS溶液により65℃で15分間洗浄を行い、さらに同様の洗浄を再度行い、さらにメンブレンをイメージアナライザー（BAS2000）を用いてシグナルの解析を行った。

プローブとしては、ブラディオオン遺伝子上流のゲノム配列を認識する5'プローブ、ネオマイシン耐性遺伝子を認識するNeoプローブ、ブラディオオン遺伝子下流のゲノム配列を認識する3'プローブをそれぞれ別々に用いた。5'プローブは、実施例1のサブクローンF11のKpnI及びHindIII切り出し断片として調製した0.9 kbのDNA断片であり、相同組換えが起こった遺伝子又は野生型遺伝子において、図1に示す通りブラディオオン遺伝子上流の配列を認識する。3'プローブは、実施例1のサブクローンA1のBamHI及びXhoI切り出し断片として調製した0.6 kbのDNA断片であり、相同組換えが起こった遺伝子又は野生型遺伝子において、図1に示す通りブラディオオン遺伝子のすぐ下流の配列を認識する。Neoプローブは、Final vector（Incyte Genomics社製）のBamHI及びEcoRI切り出し断片として調製した1.8 kbのDNA断片であり、図1に示す通り、ターゲティングベクターとの相同



組換えによりゲノムに組み込まれたネオマイシン耐性遺伝子 (Neo) を認識する。これらのプローブは、alpha-CTP<sup>32</sup>を用いてRediprime II DN Labelling System (Amersham Pharmacia Biotech社) によりラベリングして用いた。

これらのプローブを用いて解析を行ったところ、BamHIで消化したサンプルでは、相同組換えの起こっている胚性幹細胞由来DNAサンプルでは5.7キロベースのシグナルが、相同組換えの起こっていない胚性幹細胞由来の野生型対立遺伝子のみを含むDNAサンプルでは17.7キロベースのシグナルが認められた。HindIIIで消化したサンプルでは、相同組換えの起こっている胚性幹細胞由来DNAサンプルでは12.2キロベースのシグナルが、相同組換えの起こっていない胚性幹細胞由来の野生型対立遺伝子のみを含むDNAサンプルでは14.1キロベースのシグナルが検出された。

このようなサザンハイブリダイゼーションの結果より、内在性ブラディオン遺伝子を発現抑制されたゲノムDNAを有する胚性幹細胞株として281株及び344株が同定された。したがって、胚盤胞への胚性幹細胞の注入のために、胚性幹細胞株281及び344を選定した。

[実施例3] ブラディオン遺伝子を欠失したゲノムを有するマウス胚性幹細胞を用いたキメラマウスの作製及び該キメラマウスの形態観察

胚性幹細胞株281及び344のそれぞれを、C57BL/6系マウスの胚盤胞へマイクロインジェクション法により注入した。その後常法に従って、該胚盤胞を偽妊娠雌マウスの卵管内に移植し、個体へと発生させた。

その結果、以下のキメラマウスが得られた。

①胚性幹細胞株281を用いて得たキメラマウス (2001年5月6日誕生)

キメラ個体 (識別番号 5 8 0 m) . . . キメラ率90%、雄

キメラ個体 (識別番号 5 8 1 m) . . . キメラ率90%、雄

キメラ個体 (識別番号 5 8 2 m) . . . キメラ率90%、雄

キメラ個体 (識別番号 5 8 3 m) . . . キメラ率90%、雄

キメラ個体 (識別番号 5 8 4 f) . . . キメラ率95%、雌

②胚性幹細胞株344を用いて得たキメラマウス (2001年5月8日誕生)

キメラ個体（識別番号 5 8 5 f）・・・キメラ率90%、雌  
キメラ個体（識別番号 5 8 7 m）・・・キメラ率98%、雄  
キメラ個体（識別番号 5 8 8 m）・・・キメラ率98%、雄  
キメラ個体（識別番号 5 8 9 m）・・・キメラ率90%、雄

図 3 及び 4 は、上記で得られたキメラマウスの外観を示す写真である。図 3 には、胚性幹細胞株281を用いて得たキメラマウスを示した。図 4 には、胚性幹細胞株344を用いて得たキメラマウスを示した。いずれのキメラマウスにおいても、全身の発育不良、ハムスター様の顔、比較的大きな眼球、及び視点の定まらない様子が観察される。

本明細書に引用した全ての刊行物、特許及び特許出願は、その全文を参照により本明細書に組み入れるものとする。

#### 産業上の利用可能性

本発明により、脳神経系の発育不全及び各種形態異常を示す、発生時より内在性ブラディオン遺伝子を発現抑制させたキメラマウスが提供される。このキメラマウスは、脳神経系の異常に関連した生物個体モデル動物及び遺伝育種用動物として有用に利用できる。

## 請 求 の 範 囲

1. 発現が抑制されている内在性ブラディオン遺伝子を含むゲノムDNAを有するマウス胚性幹細胞が導入されたマウス胚を発生させたキメラマウス。
2. 発現が抑制されている内在性ブラディオン遺伝子が、生物学的活性を喪失したブラディオンタンパク質をコードするように遺伝子改変されていることを特徴とする、請求項1記載のキメラマウス。
3. 発現が抑制されている内在性ブラディオン遺伝子が、そのコード領域全体を欠失するように遺伝子改変されていることを特徴とする、請求項1記載のキメラマウス。
4. マウス胚性幹細胞がPJ1-5株由来であり、マウス胚がC57BL/6系マウス由来である、請求項1～3のいずれか1項に記載のキメラマウス。
5. マウス胚が8細胞期胚、桑実胚及び胚盤胞からなる群より選択されるものである、請求項1～4のいずれか1項に記載のキメラマウス。
6. 形態異常を示す、請求項1～5のいずれか1項に記載のキメラマウス。
7. 形態異常が、頭蓋骨形成不良、視力障害、及び全身の発育不良からなる群から選択される少なくとも1つである、請求項6記載のキメラマウス。
8. キメラ率が90%以上98%未満である、請求項1～7のいずれか1項に記載のキメラマウス。
9. 請求項1～8のいずれか1項記載のキメラマウスから採取される、マウス胚性幹細胞由来の細胞。

図 1

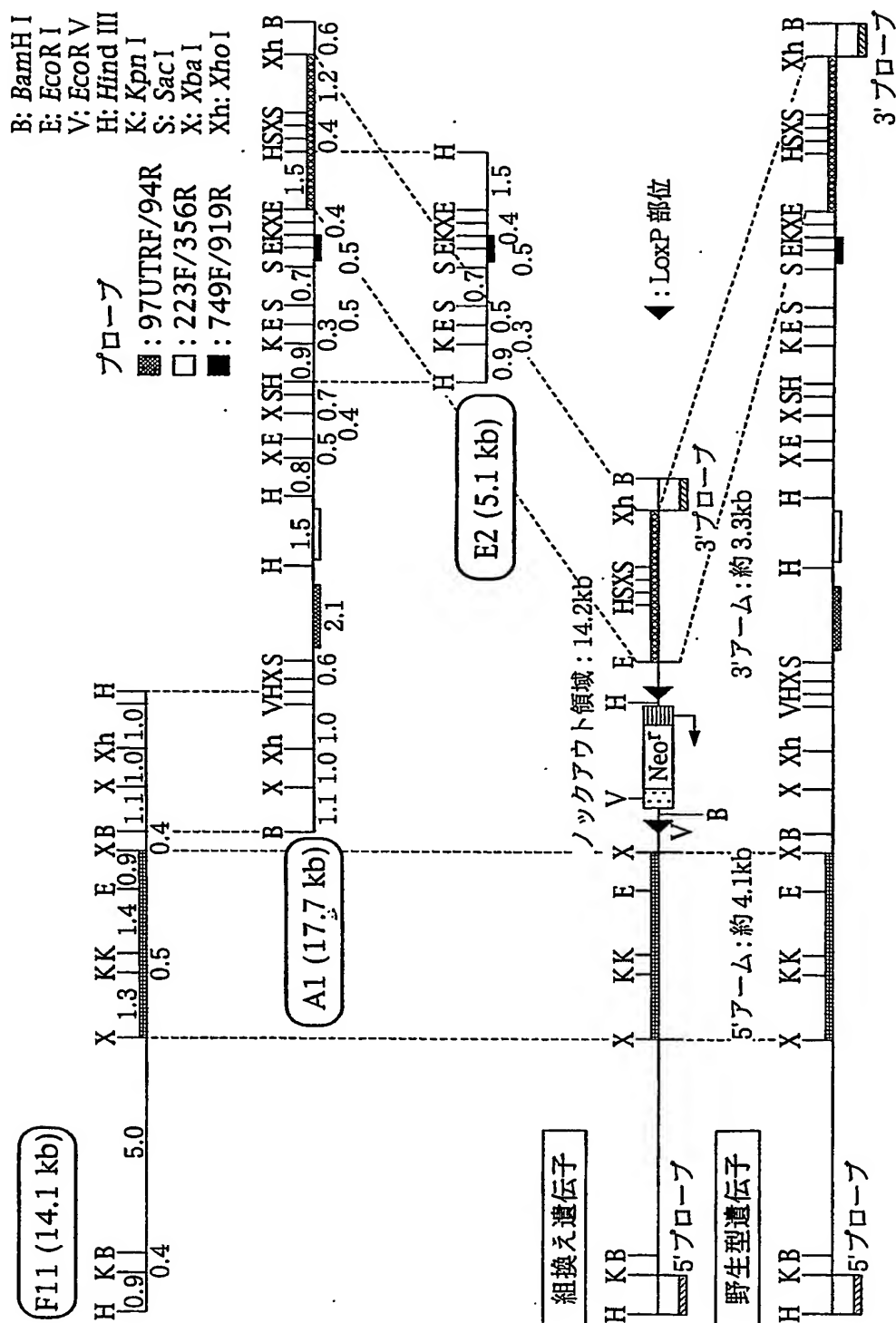


図2

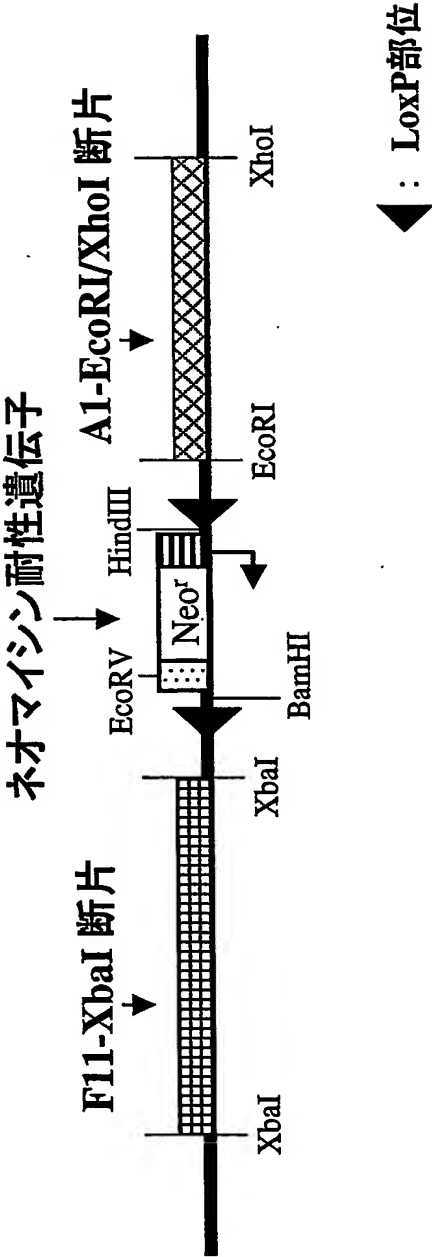


図3B



図3D



図3A



図3C

図4B

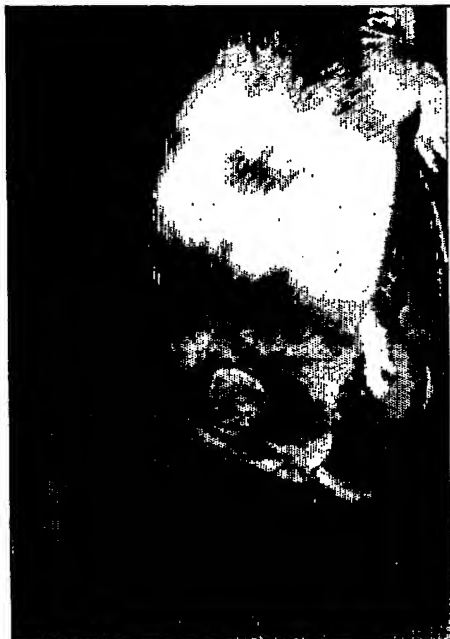


図4D



図4A



図4C

## SEQUENCE LISTING

<110> National Institute of Advanced Industrial Science and Technology  
Nippon, Co. Ltd.

<120> Chimera mouse for Bradeion gene having the inhibited expression

<130> PH-1500-PCT

<140>

<141>

<160> 5

<170> PatentIn Ver. 2.0

<210> 1

<211> 1649

<212> DNA

<213> Mus musculus

<220>

<221> CDS

<222> (36).. (1472)

<400> 1

ctagagcgtg ctgacagggg tctcaagtgt ggggc atg gac cat tca ctg gga 53

Met Asp His Ser Leu Gly

1

5



tgg caa ggg aac tct gtc ccc gag gac ggg act gaa gct ggg atc aag 101  
Trp Gln Gly Asn Ser Val Pro Glu Asp Gly Thr Glu Ala Gly Ile Lys

10

15

20

cac ttc ctg gag gac agc agt gat gat gct gag ctg agc aag ttc gtg 149  
His Phe Leu Glu Asp Ser Ser Asp Asp Ala Glu Leu Ser Lys Phe Val

25

30

35

aag gat ttc cca gga agc gaa ccc tac cac tca gcg gag tcc aag aca 197  
Lys Asp Phe Pro Gly Ser Glu Pro Tyr His Ser Ala Glu Ser Lys Thr

40

45

50

agg gtg gcc agg ccc cag atc ttg gag cca agg ccc cag agc cca gac 245  
Arg Val Ala Arg Pro Gln Ile Leu Glu Pro Arg Pro Gln Ser Pro Asp

55

60

65

70

ctc tgt gat gat gac gtg gag ttt aga ggc tcc ttg tgg ccc cag ccc 293  
Leu Cys Asp Asp Asp Val Glu Phe Arg Gly Ser Leu Trp Pro Gln Pro

75

80

85

tct gac agt cag cag tac ttc agt gcc cca gcc cct ctc agc cct tcc 341  
Ser Asp Ser Gln Gln Tyr Phe Ser Ala Pro Ala Pro Leu Ser Pro Ser

90

95

100

tcc agg ccc cgc agt cca tgg ggc aag ctt gat cct tat gat tcc tct 389  
Ser Arg Pro Arg Ser Pro Trp Gly Lys Leu Asp Pro Tyr Asp Ser Ser

105

110

115

gag gat gac aag gag tat gtg ggc ttt gca acc ctc ccc aat caa gtc 437  
Glu Asp Asp Lys Glu Tyr Val Gly Phe Ala Thr Leu Pro Asn Gln Val  
120 125 130

cac agg aag tct gtg aag aaa ggc ttt gac ttt aca ctc atg gtg gca 485  
His Arg Lys Ser Val Lys Lys Gly Phe Asp Phe Thr Leu Met Val Ala  
135 140 145 150

gga gaa tct ggt ctg ggt aaa tcc act ctt gtc aac agc ctc ttc ctc 533  
Gly Glu Ser Gly Leu Gly Lys Ser Thr Leu Val Asn Ser Leu Phe Leu  
155 160 165

act gac ttg tac cgg gat cgg aaa ctg ctg ggc gcc gaa gag cgg atc 581  
Thr Asp Leu Tyr Arg Asp Arg Lys Leu Leu Gly Ala Glu Glu Arg Ile  
170 175 180

atg caa acc gtg gag att act aag cac gca gtg gat ata gaa gag aag 629  
Met Gln Thr Val Glu Ile Thr Lys His Ala Val Asp Ile Glu Glu Lys  
185 190 195

gga gtg agg ctg cgg ctc acc att gtg gac act cca gga ttt ggg gat 677  
Gly Val Arg Leu Arg Leu Thr Ile Val Asp Thr Pro Gly Phe Gly Asp  
200 205 210

gca gtc aac aac aca gag tgc tgg aag cct gtg gcc gaa tac atc gac 725  
Ala Val Asn Asn Thr Glu Cys Trp Lys Pro Val Ala Glu Tyr Ile Asp  
215 220 225 230

cag cag ttt gag cag tac ttc cga gac gag agt ggc ctg aac cgc aag 773

Gln Gln Phe Glu Gln Tyr Phe Arg Asp Glu Ser Gly Leu Asn Arg Lys  
235 240 245

aac atc cag gac aac cgg gtg cac tgc tgc ctg tac ttc atc tcc ccg 821  
Asn Ile Gln Asp Asn Arg Val His Cys Cys Leu Tyr Phe Ile Ser Pro  
250 255 260

ttt ggc cac ggg ctc cgg cca ttg gat gtt gaa ttc atg aag gcc ctg 869  
Phe Gly His Gly Leu Arg Pro Leu Asp Val Glu Phe Met Lys Ala Leu  
265 270 275

cat cag cgg gtc aac att gtg cct atc ttg gct aag gcg gac aca ctg 917  
His Gln Arg Val Asn Ile Val Pro Ile Leu Ala Lys Ala Asp Thr Leu  
280 285 290

acg cct cct gaa gtg gac cga aag aaa tgc aaa atc cgg gag gag atc 965  
Thr Pro Pro Glu Val Asp Arg Lys Lys Cys Lys Ile Arg Glu Glu Ile  
295 300 305 310

gag cac ttt gga atc aag atc tat cag ttc cca gac tgt gat tcc gat 1013  
Glu His Phe Gly Ile Lys Ile Tyr Gln Phe Pro Asp Cys Asp Ser Asp  
315 320 325

gag gac gag gac ttc aaa tta cag gac caa gcc cta aag gaa agc atc 1061  
Glu Asp Glu Asp Phe Lys Leu Gln Asp Gln Ala Leu Lys Glu Ser Ile  
330 335 340

cca ttt gcg gtg att ggc agc aac act gtg gta gaa gcc agg ggg cgg 1109  
Pro Phe Ala Val Ile Gly Ser Asn Thr Val Val Glu Ala Arg Gly Arg

345	350	355	
aga gtt cga ggc cgc ctc tac cct tgg ggc atc gtg gaa gtg gaa aac 1157			
Arg Val Arg Gly Arg Leu Tyr Pro Trp Gly Ile Val Glu Val Glu Asn			
360	365	370	
cca ggt cac tgc gac ttt gtc aag ttg agg acg atg ctg gtg cgt acc 1205			
Pro Gly His Cys Asp Phe Val Lys Leu Arg Thr Met Leu Val Arg Thr			
375	380	385	390
cac atg cag gac cta aag gat gtg acc cga gag aca cac tac gag aac 1253			
His Met Gln Asp Leu Lys Asp Val Thr Arg Glu Thr His Tyr Glu Asn			
	395	400	405
tac agg gca cag tgt atc cag agc atg acc cgg cta gta gtg aag gaa 1301			
Tyr Arg Ala Gln Cys Ile Gln Ser Met Thr Arg Leu Val Val Lys Glu			
	410	415	420
cgg aat cgc aac aaa ctg aca aga gag agt ggt act gac ttc cct atc 1349			
Arg Asn Arg Asn Lys Leu Thr Arg Glu Ser Gly Thr Asp Phe Pro Ile			
	425	430	435
cct gct gtc cca cca ggg aca gat cca gaa act gag aag cta atc cgg 1397			
Pro Ala Val Pro Pro Gly Thr Asp Pro Glu Thr Glu Lys Leu Ile Arg			
	440	445	450
gag aaa gac gaa gag ctg cgg cgg atg cag gag atg tta cac aaa atc 1445			
Glu Lys Asp Glu Glu Leu Arg Arg Met Gln Glu Met Leu His Lys Ile			
455	460	465	470

caa aga cag atg aag gag act cac taa ctggcttttg gacctgaata 1492  
Gln Arg Gln Met Lys Glu Thr His

475

tttaaattctc ttcttcctgc ctaigccagc ctctattccc tgcatcagct ctgctcagga 1552  
ccccccgcag ctctaccag ttgccttat atccctgctg acttctcaag agactcagag 1612  
gaaataaact aacctatatg tggcaaaaaa aaaaaaa 1649

<210> 2

<211> 134

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 2

agccaaggcc ccagagccca gacctctgtg atgatgacgt ggagtttaga ggctccttgt 60  
ggccccagcc ctctgacagt cagcagtact tcagtgtccc agcccctctc agccccttct 120  
ccaggccccg cagt 134

<210> 3

<211> 171

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 3

agacgagagt ggcttgaacc gcaagaacat ccaggacaac cgggtgcact gctgccctgta 60  
cttcatctcc ccgtttggcc acgggctccg gccattggat gtigaattca tgaaggccct 120  
gcatcagcgg gtcaacattg tgcctatctt ggctaaggcg gacacactga c 171

<210> 4

<211> 191

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 4

```
aagggggaag gaaccaatca ggaagccaga tgacagcagg agcatcaaga gaagcctgtt 60
tctgtgtgag gacccttgcc tggagataaa gttacaccta gagcgtgctg acaggggtct 120
caagtgtggg gcatggacca ttacttgga tggcaaggga actctgtccc cgaggacggg 180
actgaagctg g                                     191
```

<210> 5

<211> 2225

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<220>

<221> 5' UTR

<222> (1).. (96)

<220>

<221> CDS

<222> (97).. (720)

<220>

<221> 3' UTR

<222> (721).. (2225)

&lt;400&gt; 5

agcatcaaaa caaggctgtt tctgtgtgtg aggaactttg cctgggagat aaaattagac 60

ctagagcttt ctgacaggga gtctgaagcg tgggac atg gac cgt tca ctg gga 114

Met Asp Arg Ser Leu Gly

1 5

tgg caa ggg aat tct gtc cct gag gac agg act gaa gct ggg atc aag 162

Trp Gln Gly Asn Ser Val Pro Glu Asp Arg Thr Glu Ala Gly Ile Lys

10 15 20

cgt ttc ctg gag gac acc acg gat gat gga gaa ctg agc aag ttc gtg 210

Arg Phe Leu Glu Asp Thr Thr Asp Asp Gly Glu Leu Ser Lys Phe Val

25 30 35

aag gat ttc tca gga aat gcg agc tgc cac cca cca gag gct aag acc 258

Lys Asp Phe Ser Gly Asn Ala Ser Cys His Pro Pro Glu Ala Lys Thr

40 45 50

tgg gca tcc agg ccc caa gtc ccg gag cca agg ccc cag gcc ccg gac 306

Trp Ala Ser Arg Pro Gln Val Pro Glu Pro Arg Pro Gln Ala Pro Asp

55 60 65 70

ctc tat gat gat gac ctg gag ttc aga ccc ccc tcg cgg ccc cag tcc 354

Leu Tyr Asp Asp Asp Leu Glu Phe Arg Pro Pro Ser Arg Pro Gln Ser

75 80 85

tct gac aac cag cag tac ttc tgt gcc cca gcc cct ctc agc cca tct 402

Ser Asp Asn Gln Gln Tyr Phe Cys Ala Pro Ala Pro Leu Ser Pro Ser

90

95

100

gcc agg ccc cgc agc cca tgg ggc aag ctt gat ccc tat gat tcc tct 450

Ala Arg Pro Arg Ser Pro Trp Gly Lys Leu Asp Pro Tyr Asp Ser Ser

105

110

115

gag gta gag cct cca gcc ctg cct ttg cct ttc agt ggg ctg ctg cag 498

Glu Val Glu Pro Pro Ala Leu Pro Leu Pro Phe Ser Gly Leu Leu Gln

120

125

130

gaa gac cgg ggg cag gga gca gag tgt gtg tgt gtg tgt gtg tgt gtg 546

Glu Asp Arg Gly Gln Gly Ala Glu Cys Val Cys Val Cys Val Cys Val

135

140

145

150

tgt gtg tgt gtg tgt ttg tgt gtg tgt gta tct ggg acc tat ttc agt 594

Cys Val Cys Val Cys Leu Cys Val Cys Val Ser Gly Thr Tyr Phe Ser

155

160

165

cct gtg tca gcc cta gct cca aga tat ctg ccc cca agg gca ctg gaa 642

Pro Val Ser Ala Leu Ala Pro Arg Tyr Leu Pro Pro Arg Ala Leu Glu

170

175

180

att tgc agt ttc agc aag ggc agg agg ccc agc tgg tgg cct cag atg 690

Ile Cys Ser Phe Ser Lys Gly Arg Arg Pro Ser Trp Trp Pro Gln Met

185

190

195

gga act cac aga agt ctg gca ctg ctt ttt taaggctggg gcaaaggcct 740

Gly Thr His Arg Ser Leu Ala Leu Leu Phe

200

205



gaaagggaga gaagattggc gctgggtgcc ggggccccctt tggctcctca ccgtgatgca 800  
ttctgccttc ctgtctacta ggatgacaag gagtatgtgg gctttgcaac cctccccaac 860  
caagtccacc gaaagtcctg gaagaaaggc tttgacttta ccttcattgtt ggcaggagag 920  
tctggcctgg gcaaattcac acttgtcaat agcctcttcc tcactgatct gtaccgggac 980  
cggaaacttc ttgggtgctga agagaggatc atgcaaactg tggagatcac taagcatgca 1040  
gtggacatag aagagaaggg tgtgaggctg cggctcacca ttgtggacac accaggtttt 1100  
gggatgacg tcaacaacac agagtgtctg aagcctgtgg cagaatacat tgatcagcag 1160  
tttgagcagt atttccgaga cgagagtggc ctgaaccgaa agaacatcca agacaacagg 1220  
gtgcactgct gcctgtactt catctcacc ttcggccatg ggctccggcc attggatgtt 1280  
gaattcatga aggccctgca tcagcgggtc aacatcgtgc ctatcctggc taaggcagac 1340  
acactgacac ctcccgaagt ggaccacaag aaacgcaaaa tccgggagga gattgagcat 1400  
tttggaatca agatctatca attcccagac tgtgactctg atgaggatga ggacttcaaa 1460  
ttgcaggacc aagccctaaa ggaaagcatc ccatttgcag taattggcag caacactgta 1520  
gtagaggcca gagggcggcg agttcggggt cgactctacc cctggggcat cgtggaagtg 1580  
gaaaaccag ggcactgca ctttgtgaag ctgaggacaa tgcttggtacg taccacatg 1640  
caggacctga aggatgtgac acgggagaca cattatgaga actaccgggc acagtgcac 1700  
cagagcatga cccgcctggt ggtgaaggaa cggaatcgca agtatgacca gaagccagga 1760  
caaagctggc agggggagat cccaagccta gccttgggtg agaccaagcc ctacttttgt 1820  
tcttctatag gccctgggct caatctaagc ggggtgctggg gtctcctcg ctttatcaac 1880  
ccttttctcc ctttagcaaa ctgactcggg aaagtgggtc cgacttcccc atccctgctg 1940  
tcccaccagg gacagatcca gaaactgaga agcttatccg agagaaagat gaggagctgc 2000  
ggcggatgca ggagatgcta cacaaaatac aaaaacagat gaaggagaac tattaactgg 2060  
ctttcagccc tggatattta aatctcctcc tcttcttctt gtccatgccg gcccctccca 2120  
gcaccagctc tgctcaggcc cttcagcta ctgccacttc gccttacatc cctgctgact 2180  
gcccagagac tcagaggaaa taaagttaa taaatctgta ggtgg 2225

# INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International Classification No.

PCT/JP02/10599

## A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER

Int.Cl<sup>7</sup> A01K67/027

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

## B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)

Int.Cl<sup>7</sup> A01K67/027

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Jitsuyo Shinan Koho	1955-1996	Jitsuyo Shinan Toroku Koho	1996-2002
Kokai Jitsuyo Shinan Koho	1971-2002	Toroku Jitsuyo Shinan Koho	1994-2002

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)

JOIS (BRADEION, BURADEION (in Japanese), SEPTIN, SEPUCHIN (in Japanese))  
BIOSIS (BRADEION)

## C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	Biochemical and Biophysical Research Communications, Vol.286, No.3, (2001), pages 547 to 553	1-9
A	JP 2000-139470 A (Director General, Agency of Industrial Science and Technology), 23 May, 2000 (23.05.00), Full text & US 6423504 A	1-9
A	JP 2001-161384 A (Director General of National Institute of Advanced Industrial Science and Technology), 19 June, 2001 (19.06.01), Full text (Family: none)	1-9
T	Cancer Gene Therapy, Vol.9, No.6, (2002), pages 483 to 488	1-9

☐ Further documents are listed in the continuation of Box C.

☐ See patent family annex.

* Special categories of cited documents:	"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention
"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance	"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone
"E" earlier document but published on or after the international filing date	"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art
"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)	"&" document member of the same patent family
"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means	
"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed	

Date of the actual completion of the international search  
19 December, 2002 (19.12.02)

Date of mailing of the international search report  
14 January, 2003 (14.01.03)

Name and mailing address of the ISA/  
Japanese Patent Office

Authorized officer

Facsimile No.

Telephone No.

## A. 発明の属する分野の分類 (国際特許分類 (IPC))

Int. Cl' A01K67/027

## B. 調査を行った分野

調査を行った最小限資料 (国際特許分類 (IPC))

Int. Cl' A01K67/027

最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

日本国実用新案公報 1955-1996  
 日本国公開実用新案公報 1971-2002  
 日本国実用新案登録公報 1996-2002  
 日本国登録実用新案公報 1994-2002

国際調査で使用了電子データベース (データベースの名称、調査に使用した用語)

JOIS (BRADEION、ブラディオ、セプティン、セブチン)  
 BIOSIS (BRADEION)

## C. 関連すると認められる文献

引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
A	Biochemical and Biophysical Research Communications, Vol.286, No.3, (2001), p.547-553	1-9
A	JP 2000-139470 A (工業技術院長) 2000.05.23, 全文 & US 6423504 A	1-9
A	JP 2001-161384 A (経済産業省産業技術総合研 究所長) 2001.06.19, 全文, (ファミリーなし)	1-9

☒ C欄の続きにも文献が列挙されている。☐ パテントファミリーに関する別紙を参照。

## \* 引用文献のカテゴリー

「A」 特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの  
 「E」 国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日以後に公表されたもの  
 「L」 優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献 (理由を付す)  
 「O」 口頭による開示、使用、展示等に関する文献  
 「P」 国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願

の日の後に公表された文献

「T」 国際出願日又は優先日後に公表された文献であって出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの  
 「X」 特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの  
 「Y」 特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの  
 「&」 同一パテントファミリー文献

国際調査を完了した日

19.12.02

国際調査報告の発送日

14.01.03

国際調査機関の名称及びあて先

日本国特許庁 (ISA/JP)  
 郵便番号100-8915  
 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号

特許庁審査官 (権限のある職員)

関根 裕



2B

9414

電話番号 03-3581-1101 内線 3236

C (続き) . 関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
T	Cancer Gene Therapy, Vol.9, No.6, (2002), p.483-488	1-9